

STRAIN: EM00608 (GR-NULL)

PRIMER GR1 5'-GGC-ATG-CAC-ATT-ACG-GCC-TTC-T -3'

PRIMER GR4 5'-GTG-TAG-CAG-CCA-GCT-TAC-AGG-A -3'

PRIMER GR8 5'-CCT-TCT-CAT-TCC-ATG-TCA-GCA-TGT-3'

PRIMER GR1 15pm / total volume 30ul Tm: 68°C

PRIMER GR4 15pm / total volume 30ul Tm: 68°C

PRIMER GR8 7.5pm / total volume 30ul Tm: 70°C

PCR MIX

dNTPS (2mM) 3ul

PCR BUFFER 10x 3ul

PRIMER GR1 (0.5pm/ul)

PRIMER GR4 (0.5pm/ul)

PRIMER GR8 (0.25pm/ul)

H2O

TAQ POLYMERASE (5U/ul) 0.16ul

DNA (200ng/ul) 1ul

TOTAL 30ul

PCR PROGRAM:

- 1) 95°C x 2'00''
- 2) 95°C x 0'45''
- 3) 56°C x 0'45''
- 4) 72°C x 1'00''
- 5) step 2 to step 5 x 40 repeats
- 6) 72°C x 10'00''
- 7) 4°C forever
- 8) End

MUTATION: 450 BP **WILD TYPE: 230 BP**