

STRAIN: EM:01793 (COUP-TFI-lox)

PRIMER ARM5 5'-CTGCTGTAGGAATCCTGTCTC -3'

PRIMER EX351 5'- AATCCTCCTCGGTGAGAGTGG-3'

PRIMER ARM5 15pm / total volume 30ul Tm: 64°C

PRIMER EX351 15pm / total volume 30ul Tm: 66°C

PCR MIX

DNTPS (2mM) 3ul

PCR BUFFER 10x 3ul

PRIMER ARM5 (0.5pm/ul)

PRIMER EX351 (0.5pm/ul)

H2O

TAQ POLYMERASE (5U/ul) 0.16ul

DNA 1ul

TOTAL 30ul

PCR PROGRAM:

- 1) 95°C x 2'00''
- 2) 95°C x 0'30''
- 3) 62°C x 0'30''
- 4) 72°C x 1'30''
- 5) step 2 to step 5 x 40 repeats
- 6) 72°C x 10'00''
- 7) 4°C forever
- 8) End

MUTATION: 320 BP WILD TYPE: 230 BP