

STRAIN: EM04570

PRIMER fam86 FOR **5'-CAG-CTT-CAG-TCA-GCA-CTG-AAG-CAA -3'**

PRIMER fam86 REV **5'-TCA-AGA-TGC-CTC-TTG-GTG-CCG-TTA -3'**

PRIMER FTR REV **5'-CCT TCC TCC TAC ATA GTT GGC AGT-3'**

PRIMER fam86 FOR 15pm / total volume 30ul Tm: 72°C

PRIMER fam86 REV 5 pm / total volume 30ul Tm: 72°C

PRIMER FTR REV 15pm / total volume 30ul Tm: 72°C

PCR MIX

DNTPS (2mM) 3ul

PCR BUFFER 10x 3ul

PRIMER fam86 FOR (0.5pm/ul)

PRIMER fam86 REV (0.17pm/ul)

PRIMER FTR REV (0.5pm/ul)

H2O

TAQ POLYMERASE (5U/ul) 0.3ul

DNA 2ul

TOTAL 30ul

PCR PROGRAM:

- 1) 95°C x 2'00''
- 2) 95°C x 0'30''
- 3) 46°C x 0'30''
- 4) 72°C x 1'00''
- 5) step 2 to step 5 x 50 repeats
- 6) 72°C x 10'00''
- 7) 4°C forever
- 8) End

MUTATION: 270 BP

WILD TYPE: 188 BP